

Isolation and Discovery of New Antimicrobial-agent Producer Strains Using Antibacterial Screening of Halophilic Gram-positive Endospore-forming Bacteria Isolated from Saline Lakes of Iran

Asefeh Dahmardeh Ghalehno¹, Maryam Ghavidel-Aliabadi², Zeinab Shahmohamadi², Maliheh Mehrshad³, Mohammad Ali Amoozegar⁴, Abolghasem Danesh^{5*}

1. PhD Student, School of Pharmacy, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran.

2. Pharmacist, School of Pharmacy, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran.

3. PhD Student, Extremophiles Laboratory, Department of Microbiology, Faculty of Biology, University of Tehran, Tehran, Iran.

4. Associate Professor, Extremophiles Laboratory, Department of Microbiology, Faculty of Biology, University of Tehran, Tehran, Iran.

5. Assistant Professor, Biotechnology Research Center, Pharmaceutical Technology Institute, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran.

Received: 25 Nov 2017, Accepted: 7 Jan 2018

Abstract

Background: Today, discovery and production of new antimicrobial drugs has been emphasized due to the growing of antimicrobial resistance. The purpose of this study was to screen out antimicrobial producing bacteria among halophilic or halotolerant Gram-positive endospore-forming bacteria isolated from different areas of Iran.

Materials and Methods: 62 strains were isolated from saline lakes of Iran, endospore-forming ability was evaluated and further identification of strains was done using 16S rRNA gene sequencing. Screening test was performed using two-layer agar diffusion method in which the indicator strains, *Bacillus cereus* (ATCC 14579) and *Escherichia coli*, (PTCC 1330) were inoculated in the seed layer. Finally, the production of antimicrobial active agent during a period of 7 days was studied followed by evaluating the effect of base-layer agar concentration on the dissemination of antibacterial metabolite.

Results: Isolates WT6, R4A19 produced an agent(s) which inhibited the growth of both *B. cereuse* and *E. Coli*. The inhibition zone against only *E. Coli* was observed when R4A20 strain had been cultured in the base layer, while four non-bacillus strains (R4S2, LbS2, RF1 and WT19) could inhibit the growth of *B. cereuse*. The antibacterial compound production of WT6 against *Bacillus cereuse* and *E. Coli* reached to its optimum level after 3 and 4 days respectively, while R4A20 produced the active substance, optimally, after 5 days. No significant difference effect on diameter of zone inhibition was observed among various base-layer agar concentrations.

Conclusion: Halophile or halotolerant endospore-forming bacteria isolated from different areas of Iran possess a potential to be considered as interesting microorganisms for further antimicrobial research studies.

Keywords: Antibacterial agents, Endospore Forming bacteria, Halophiles saline tolerance, Iran.

*Corresponding Author:

Address: School of Pharmacy, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran.

Email: DaneshA@mums.ac.ir

جداسازی و شناسایی سویه‌های تولیدکننده مواد فعال ضد میکروبی در طی غربال‌گری باکتری‌های گرم مثبت تشکیل‌دهنده‌ی آندوسپور هالوفیل جدا شده از دریاچه‌های شور ایران

آصفه ده‌مرده قلعه‌نو^۱، مریم قوی‌دل علی‌آبادی^۲، زینب شاه‌محمدی^۳، ملیحه مهرشاد^۴، محمدعلی آموزگار^۵، ابوالقاسم دانش^{۵*}

۱. دانشجوی دکتری، دانشکده داروسازی، دانشگاه علوم پزشکی مشهد، مشهد، ایران

۲. داروساز، دانشکده داروسازی، دانشگاه علوم پزشکی مشهد، مشهد، ایران

۳. دانشجوی دکتری، آزمایشگاه اکستروموفیل‌ها، گروه میکروبیولوژی، دانشکده زیست‌شناسی، دانشگاه تهران، تهران، ایران

۴. دانشیار، آزمایشگاه اکستروموفیل‌ها، گروه میکروبیولوژی، دانشکده زیست‌شناسی، دانشگاه تهران، تهران، ایران

۵. استادیار، مرکز تحقیقات بیوتکنولوژی، پژوهشکده علوم نوین دارویی، دانشگاه علوم پزشکی مشهد، مشهد، ایران

تاریخ دریافت: ۹۶/۹/۴، تاریخ پذیرش: ۹۶/۱۰/۱۷

چکیده

زمینه و هدف: امروزه، با توجه به رشد روزافزون مقاومت ضد میکروبی، کشف و تولید داروهای ضد میکروبی جدید مورد تأکید است. هدف از این مطالعه، بررسی باکتری‌های هالوفیل یا هالوتالرننت تولیدکننده‌ی آندوسپور جدا شده از مناطق مختلف ایران به منظور غربال‌گری گونه‌های تولیدکننده مواد فعال ضد میکروبی است.

مواد و روش‌ها: تعداد ۶۲ ایزوله از دریاچه‌های شور مختلف ایران جداسازی شدند، تولید آندوسپور مورد بررسی قرار گرفت و شناسایی تکمیلی با استفاده از توالی‌یابی ژن 16S rRNA انجام شد. غربال‌گری به روش دو لایه در محیط کشت آگار به‌گونه‌ای انجام شد که دو باکتری اندیکاتور باسیلوس سرئوس (ATCC 14579) و اشرشیا کلی (PTCC 1330) در لایه‌ی بالایی تلقیح شدند. در انتها تولید ماده‌ی فعال ضد میکروبی در یک دوره زمانی هفت روزه مورد بررسی قرار گرفت و در ادامه اثر غلظت آگار در لایه‌ی پایینی بر انتشار متابولیت ضدباکتریایی مطالعه شد.

یافته‌ها: سویه‌های WT6 و R4A19 با تولید ماده ضد میکروبی رشد هر دو باکتری باسیلوس سرئوس و اشرشیا کلی را مهار کردند. هاله‌ی عدم رشد فقط بر علیه اشرشیا کلی، زمانی که سویه‌ی R4A20 در لایه‌ی پایینی کشت داده شده بود، مشاهده شد؛ در حالی که چهار سویه WT19، RF1، LbS2، R4S2 فقط توانستند رشد باسیلوس سرئوس را مهار کنند. حداکثر تولید ماده فعال ضد میکروبی برای سویه WT6 علیه باسیلوس سرئوس و اشرشیا کلی به ترتیب بعد از روز سوم و چهارم به دست آمد، در حالی که سویه‌ی R4A20 ماده‌ی فعال را پس از ۵ روز به تولید بهینه رساند. در اندازه شعاع هاله عدم رشد در غلظت‌های متفاوت آگار موجود در لایه‌ی پایه، تفاوت معناداری مشاهده نشد.

نتیجه‌گیری: باکتری‌های هالوفیل یا هالوتالرننت تولیدکننده آندوسپور جدا شده از نقاط مختلف ایران به عنوان میکروارگانسیم‌های ضدباکتریایی جالب، ارزش بررسی و تحقیق بیشتری دارند.

واژگان کلیدی: ماده فعال ضدباکتریایی، باکتری‌های تولیدکننده‌ی آندوسپور، هالوفیل‌ها، تحمل شوری، ایران

*نویسنده مسئول: ایران، مشهد، دانشگاه علوم پزشکی مشهد، دانشکده داروسازی

Email: DaneshA@mums.ac.ir

مقدمه

امروزه باتوجه به مقاومت پیش‌رونده باکتری‌ها به آنتی‌بیوتیک‌های موجود در بازار یک نگرانی جدی در بخش سلامت ایجاد شده است (۱). به عنوان مثال، مقاومت باکتری سینه‌پهلو (استریتوکوک پنومونیه) به پنی‌سیلین هم‌چنان رو به افزایش است (۲). به‌طور کلی، در سال ۲۰۱۵، تعداد افراد مبتلا به مایکوباکتریوم توبرکلوزیس مقاوم به چندین آنتی‌بیوتیک (MDR-TB)، ۴۸۰۰۰۰ تخمین زده شده‌است که بیشتر از ۱۰۰۰۰۰ نفر مبتلا به مایکوباکتریوم توبرکلوزیس مقاوم به ریفامپین و کاندید دریافت درمان هستند (۱). در آمریکا، سالیانه حدود ۶۳۰۰۰ نفر در اثر ابتلا به میکروب‌های مقاوم بیمارستانی می‌میرند (۳). به گزارش سازمان بهداشت جهانی، ۴۴۰۰۰۰ نفر در جهان سالیانه به سل مقاوم به آنتی‌بیوتیک‌ها مبتلا می‌شوند که ۱۵۰۰۰۰ نفر از آن‌ها جان خود را از دست می‌دهند (۴). اهمیت موضوع تا آن‌جا پیش رفته است که روز بهداشت جهانی در سال ۲۰۱۱ به نام مبارزه با میکروارگانیسم‌های مقاوم به آنتی‌بیوتیک نام‌گذاری شد (۵). اگرچه پدیده ایجاد مقاومت به آنتی‌بیوتیک‌ها یک پدیده طبیعی است، ولی دو عامل به گسترش آن شتاب بخشیده‌است: استفاده بیش از حد از آنتی‌بیوتیک‌ها و عدم وجود روش‌های تشخیصی سریع که منجر به استفاده از آنتی‌بیوتیک‌های وسیع‌الطیف به منظور اطمینان از اثربخشی آن شده است. اکنون با گسترش مقاومت به داروهای ضد میکروبی و هشدار سازمان بهداشت جهانی، کشف و تولید داروهای ضد میکروبی جدید مورد تأکید است (۶). میکروارگانیسم‌هایی که برای رشد در محیط‌هایی با شرایط ویژه، سازگاری پیدا کرده‌اند نظیر باکتری‌های نمک‌دوست یا باکتری‌هایی که نمک را تحمل می‌کنند، قابلیت‌های زیادی برای مطالعه و تحقیق از جهت تولید مواد دارای فعالیت‌زیستی و به خصوص آنتی‌بیوتیک‌ها دارند (۷).

آنتی‌بیوتیک‌ها محصولات متابولیسم ثانویه هستند. اگرچه محصول آن‌ها در اغلب تخمیرهای صنعتی نسبتاً کم

است، ولی به دلیل فعالیت درمانی بالا و ارزش اقتصادی بالای آن‌ها، این مواد در مقیاس تجارتي می‌توانند از طریق تخمیر میکروبی تولید شوند (۸).

میکروارگانیسم‌های مورد استفاده در تولید ماده ضد میکروبی شامل باکتری‌ها (۹)، قارچ‌ها (۱۰، ۱۱)، جلبک‌ها و اکتینومسیت‌ها هستند (۱۲). پسودوموناس‌ها و باسیلوس‌ها که به عنوان مهم‌ترین تولیدکننده آنتی‌بیوتیک‌هایی از نوع پلی‌پپتیدی هستند را می‌توان در دسته‌ی باکتری‌ها قرار داد (۱۳). پسودوموناس‌ها مواد فعال ضد میکروبی پلی‌پپتیدی، ترکیبات هتروسیکلی و مشتقات فازی تولید می‌کنند (۱۴).

برای جداسازی میکروارگانیسم‌های صنعتی از محیط‌های طبیعی مانند خاک، آب، مواد غذایی، میوه‌جات گندیده و فاضلاب استفاده می‌شود و ممکن است در ادامه تغییراتی در ژنتیک و ماشین مولکولی میکروب داده شود (۱۵).

راه اصلی که منجر به کشف آنتی‌بیوتیک‌های جدید می‌شود غربال کردن است. طی این عمل، میکروارگانیسم‌هایی که قادر به تولید مواد فعال ضد میکروبی باشند از جمعیت میکروبی موجود در منابع طبیعی جدا می‌شوند. تولید ماده قابل نفوذ در محیط‌کشت که از رشد میکروب‌های شناخته‌شده جلوگیری می‌نماید، دلیل وجود مواد فعال ضد میکروبی می‌باشد. میکروب‌هایی که غالباً برای تست ضد میکروبی مورد آزمایش قرار می‌گیرند از میان میکروب‌های آزمایشگاهی چون باسیلوس سوبتیلیس و اشیریشیاکلی و میکروب‌های حائز اهمیت از جنبه پزشکی انتخاب می‌گردند. برحسب این که جداسازی اولیه انجام گرفته‌است یا خیر، از روش‌های انتشار در آگار و روش متقاطع جهت غربال‌گری اولیه استفاده می‌شود (۱۶، ۱۷).

در غربال‌گری ثانویه شناسایی خانواده و جنس انجام می‌شود و سپس وارد مراحل بعدی می‌شویم که شامل تهیه

انجام نشده است، احتمال کشف آنتی‌بیوتیک‌های جدید زیاد است. هدف از این تحقیق، شناسایی سویه‌های گرم‌مثبت تولیدکننده آندوسپور اکسترموفیل است که از دریاچه‌های شور نقاط مختلف ایران جدا شده و مواد فعال ضدباکتریایی تولید می‌کنند.

مواد و روش‌ها

محیط‌های کشت

در این پژوهش، از محیط کشت‌های مختلفی مانند محیط کشت SNA (Sea Nutrient Agar) و SWN (Sea Water Nutrient Agar) برای کشت برخی از باکتری‌های هالوفیل تولیدکننده آندوسپور استفاده شد که هر دو محتوی پپتون گوشت (شرکت QueLab) به مقدار ۵ گرم، عصاره قارچ (شرکت PROMedia) به مقدار ۱ گرم، عصاره گوشت (شرکت Merk) به مقدار ۲ گرم، نمک کلرید سدیم به مقدار ۲۰ گرم، سولفات منیزیم هفت‌آبه به مقدار ۵ گرم، کلرید منیزیم شش‌آبه ۳ گرم، کلرید پتاسیم به مقدار ۰/۵ گرم و آگار (شرکت Himedia) به مقدار ۱۵ گرم در یک لیتر آب مقطر می‌باشند، با این تفاوت که مقدار نمک کلرید کلسیم در محیط کشت SNA ۰/۵ گرم بر لیتر است و در SWN ۰/۰۵ گرم بر لیتر می‌باشد.

برای رشد و تکثیر برخی از هالوفیل‌های تولیدکننده آندوسپور از محیط کشت‌های MH (Moderate halophilic medium) و MH ۲/۵ درصد استفاده شد که اجزای تشکیل‌دهنده این محیط‌های کشت در جدول ۱ آورده شده است.

برای رشد و تکثیر میکروارگانیسم‌های اندیکاتور در مراحل مختلف از محیط کشت‌های Tryptone Soya (TSB) Broth، (TSA) Tryptone Soya Agar و (NA) Nutrient Agar از شرکت Himedia استفاده شد.

نمونه خام، کروماتوگرافی و تشخیص ساختمان ماده فعال ضد میکروبی و تولید آن به شکل انبوه می‌باشد (۱۸).

میکروارگانیسم‌ها همواره در معرض محرک‌های محیطی قرار دارند. باکتری‌ها معمولاً به صورت گروهی زندگی می‌کنند و به منظور پاسخ هماهنگ به تحریکات و تنش‌های محیطی، فرآیندهای مختلف زیستی خود را با استفاده از سیستم حد نصاب احساس و تولید مولکول‌های پیام‌رسان کوچک به نام خودالفاگرا تنظیم می‌کنند و با فعال‌سازی یا مهار ژن‌ها به آن‌ها پاسخ می‌دهند. ساخت خودالفاگرا، گیرنده آن‌ها، تنظیم‌کننده‌های پاسخ به آن‌ها و ژن‌های تنظیم‌شونده با آن‌ها از ویژگی‌های کلیدی سیستم حد نصاب احساس هستند (۱۹).

باکتری‌های تولیدکننده آندوسپور کاربرد مهمی در صنعت و پزشکی دارند. به عنوان مثال، جنس باسیلوس کاربرد وسیعی در تولید آنزیم‌های مورد استفاده در صنعت و بیوکنترل‌های مورد استفاده در کشاورزی دارند. هم چنین، گزارشات علمی متعددی درباره تولید مواد فعال ضد میکروبی توسط جنس باسیلوس وجود دارد (۲۰).

به‌طور کلی، مطالعات کمتری در زمینه‌ی باکتری‌های اکسترموفیل در جهان نسبت به باکتری‌هایی که در شرایط عادی رشد می‌کنند صورت گرفته است (۶). میکروارگانیسم‌های نمک‌دوست یا تحمل‌کننده نمک گروهی از اکسترموفیل‌ها هستند که قادر به رشد در محیط واجد نمک هستند و برای زندگی در محیط‌های شور تطابق یافته‌اند. هالوفیل‌ها با تراکم کردن مولکول‌های زیستی (که خود سنتز کرده‌اند و یا از محیط گرفته‌اند) در سیتوپلاسم، غلظت آن‌ها را در درون خود با محیط برابر می‌کنند. و دوم این که آن‌ها با استفاده از نفوذپذیری انتخابی یون پتاسیم (K⁺) به داخل سیتوپلاسم سعی می‌کنند که خود را با محیط سازگار کنند.

از آنجایی که روی میکروارگانیسم‌های موجود در ایران (مربوط به اکوسیستم‌های مختلف ایران) کار زیادی

جدول ۱. اجزای تشکیل‌دهنده محیط کشت‌های MH و MH 2.5%

محیط کشت MH		محیط کشت MH ۲/۵ درصد	
مقدار (برحسب گرم)	اجزای تشکیل‌دهنده	مقدار (برحسب گرم)	اجزای تشکیل‌دهنده
۵	پپتون	۵	پپتون
۱۰	عصاره قارچ	۱۰	عصاره قارچ
۱۰۰	کلرید سدیم	۲۵/۲۵	کلرید سدیم
۹/۶	سولفات منیزیم ۷ آب	۲/۴	سولفات منیزیم
۷	کلرید منیزیم ۶ آب	۱/۷۵	کلرید منیزیم
۲	کلرید پتاسیم	۰/۰۹	کلرید کلسیم
۰/۳۶	کلرید کلسیم ۲ آب	۰/۰۱۵	هیدروژن کربنات سدیم
۰/۰۶	هیدروژن کربنات سدیم	۰/۰۰۶۵	برمیدسدیم
۰/۰۲۶	برمیدسدیم	۱	گلوکوز
۱	گلوکوز	۱۵	آگار
۱۵	آگار	تا ۱۰۰۰ میلی لیتر	آب مقطر
تا ۱۰۰۰ میلی لیتر			

و
AGAGTTTGATCMTGGCTCAG
CGGTTACCTTGTTACGACTTCACC و با
استفاده از واکنش زنجیره‌ای پلیمرز انجام گرفت (۲۴).
محصول واکنش زنجیره‌ای پلیمرز پس از تایید تکثیر با
استفاده از الکتروفورز ژل آگاروز برای تعیین ترادف مورد
استفاده قرار گرفت (شرکت ماکروژن، کره جنوبی). توالی‌های
دریافت شده با استفاده از نرم‌افزار Chromas Pro ویرایش
شده و با استفاده از نرم‌افزار BLAST با توالی‌های معتبر ثبت
شده در درگاه EZbiocloud مقایسه و نزدیک‌ترین سویه
استاندارد ثبت شده از نظر توالی ژنی ۱۶S rRNA مشخص
شد (۲۵).

باکتری‌های باسیلوس سرئوس (ATCC 14579)
و اشیریشیا کلی (PTCC 1330) به‌عنوان اندیکاتور
تست‌های ضد میکروبی استفاده شدند.

بهینه‌سازی نمک محیط کشت

محیط کشت‌های SNA، SWN و MH هر کدام
به ترتیب دارای ۲۰، ۲۰ و ۱۰۰ گرم بر لیتر نمک کلرید سدیم
در فرمول محیط کشت می‌باشند. از آنجایی که تست غربال-
گری به روش دولایه باید انجام می‌شد، بهینه‌سازی غلظت
نمک در لایه پایه برای عدم تاثیر گذاری منفی بر روی باکتری

میکروارگانیزم‌ها

میکروارگانیزم‌هایی که در این پروژه مورد غربال-
گری قرار گرفتند، باکتری‌هایی هستند که از دریاچه‌های
پر شور مناطق مختلف ایران از جمله دریاچه ارومیه، دریاچه
حوض سلطان قم، دریاچه نمک آران و بیگلدر، دریاچه اینچه
برون و تالاب کم‌شور گمیشان جداسازی و خالص‌سازی
شدند (۲۱). نمونه‌های جمع‌آوری شده شامل آب، خاک و
بلورهای نمک بودند که پس از جمع‌آوری در شرایط سترون
به آزمایشگاه منتقل شده و تا زمان بررسی در دمای چهار
درجه‌ی سانتیگراد نگهداری شدند و جداسازی با استفاده از
روش سریال رقت بر روی محیط جامد انجام گرفت (۲۲).

تولید آندوسپور در سویه‌های خالص‌سازی شده با
روش رنگ‌آمیزی آندوسپور با استفاده از رنگ مالاشیت
گرین مورد بررسی قرار گرفت. شناسایی تکمیلی تعداد ۶۲
سویه تولیدکننده آندوسپور با استفاده از توالی‌یابی ژن
۱۶S rRNA انجام گرفت. جهت تکثیر ژن ۱۶S rRNA از
سویه‌های مورد بررسی توده‌زیستی تهیه شده و استخراج
DNA ژنومی انجام گرفت (۲۳) و تکثیر ژن زیر واحد
کوچک ریبوزومی با استفاده از پرایمرهای عمومی 27F و
1492R به ترتیب با توالی‌های

حالت مذاب و به‌طریقی که قبلاً شرح داده شد بر روی لایه پایه ریخته شد و در انکوباتور ۳۷ درجه سانتی گراد انکوبه گردید. وجود یا عدم وجود هاله عدم رشد در اطراف ناحیه رشد یافته پس از ۱۲ تا ۱۶ ساعت بررسی شد. از هر گروه سویه‌هایی که فعالیت ضد میکروبی قابل ملاحظه‌ای از خود نشان دادند، برای مرحله بعد انتخاب شدند. پلیت کنترل منفی دقیقاً مانند تست انتخاب و طراحی شد، فقط با این تفاوت که تلقیحی روی لایه پایه انجام نشده بود.

اثر زمان بر تولید ماده فعال ضد میکروبی

برای بررسی اثر زمان بر روی تولید ماده (مواد) فعال ضد میکروبی توسط سویه‌های منتخب، بررسی تولید ماده فعال ضد میکروبی به صورت دوبار تکرار مانند بالا انجام شد، با این تفاوت که سویه‌ها در پلیت‌های مختلف و در بازه‌های زمانی ۰/۵، ۱، ۲، ۳، ۴، ۵ و ۷ روزه کشت داده شدند و تست ضد میکروبی انجام شد و شعاع هاله عدم رشد از هشت جهت با کولیس اندازه‌گیری شد.

اثر غلظت آگار بر انتشار ماده فعال ضد میکروبی

به منظور بررسی اثر غلظت آگار محیط کشت بر انتشار و نفوذ ماده‌ی فعال ضد میکروبی تولید شده توسط باکتری‌های منتخب، اثر چهار غلظت متفاوت از آگار در لایه پایه (۰/۷، ۱، ۱/۲ و ۱/۵ درصد) مورد مطالعه قرار گرفت.

تحلیل آماری

تحلیل آماری بر اساس میانگین تغییرات شعاع هاله عدم رشد و اندازه‌گیری انحراف معیار از میانگین انجام شد. در تست آماری تحلیل واریانس یک-طرفه با آزمون تعقیبی توکی مقدار ارزش p کمتر از ۰/۰۵، معنادار در نظر گرفته شد.

یافته‌ها

شناسایی باکتری

در این پژوهش، از نمونه‌های جدا شده از مناطق شور ایران، تعداد ۶۲ گونه باکتری جداسازی شدند که پس از

های اندیکاتور (باسیلوس سرئوس و اشیشیا کلی) که در لایه بالایی قرار داشتند، ضروری به نظر می‌رسید. ابتدا از باکتری‌های اندیکاتور در محیط کشت مایع TSB تلقیح شد و پس از رسیدن کدورت رشد میکروبی در طول موج ۶۲۰ نانومتر به حدود ۰/۷ تا ۰/۸، حدود ۲ میلی‌لیتر از سوسپانسیون میکروبی با ۸ میلی‌لیتر از محیط کشت TSA مذاب در دمای ۴۰ تا ۵۰ درجه سانتی‌گراد به‌طوری مخلوط شد که غلظت نهایی میکروبی حدود نیم مک‌فارلند شود و بلافاصله بر روی لایه پایه که از قبل با غلظت‌های متفاوتی از نمک کلرید سدیم تهیه شده بود، ریخته شد. سپس در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد گرماگذاری شد و پس از گذشت ۱۲ تا ۱۶ ساعت چگونگی تاثیر غلظت نمک کلرید سدیم موجود در لایه پایه بر روی رشد باکتری‌های اندیکاتور موجود در لایه بالایی بررسی شد. غلظت‌های مختلف نمک کلرید سدیم در لایه پایه در محیط کشت‌های SWN و SNA به میزان ۱۰، ۱۵ و ۲۰ گرم بر لیتر و برای محیط کشت MH به میزان ۱۵، ۲۰، ۵۰، ۸۰ و ۱۰۰ گرم بر لیتر در نظر گرفته شد.

تست‌ها به صورت دوبار تکرار انجام شد. مقدار بهینه نمک کلرید سدیم مقداری است که از یک طرف باکتری‌های اندیکاتور بتوانند در لایه بالایی رشد کنند و از طرف دیگر باکتری هالوفیل اصلی ما هم بتواند در لایه پایینی رشد کرده و اثرات متابولیکی خود را نشان دهد.

انجام تست غربال‌گری ضد میکروبی

جهت انجام تست غربال‌گری، ابتدا باکتری‌های گرم‌مثبت تولیدکننده آندوسپور جدا شده، بر روی محیط کشت اختصاصی خود در لایه پایه که دارای مقدار بهینه‌شده‌ای از نمک کلرید سدیم بود، به صورت دایره‌وار با قطر مشخص تلقیح شدند و در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد گرماگذاری انجام شد. پس از گذشت ۳ تا ۴ روز از رشد سویه و اسپورسازی، کلنی‌های رشد یافته هالوفیل‌ها با ۲۰ میکرولیتر ایزوپروپانل تر شد و پس از اندک زمانی محیط کشت لایه بالایی که محتوی باکتری‌های اندیکاتور است در

گرم مثبت تولیدکننده آندوسپور غیربسیلوسی (۳۱ گونه) طبقه‌بندی شدند که نام و مشخصات آن‌ها به همراه نزدیک‌ترین سویه از لحاظ فیلوژنی در جداول ۲ و ۳ آورده شده است.

رنگ آمیزی مالاشیت گرین به عنوان باکتری‌های گرم مثبت تولیدکننده آندوسپور شناسایی شدند. سویه‌های جدا شده با استفاده از آنالیز ۱۶S rRNA تعیین گونه شدند و در دو گروه باکتری‌های گرم مثبت تولیدکننده آندوسپور هالوفیل یا هالوترانت متعلق به جنس *Bacillus* (۳۱ گونه) و باکتری‌های

جدول ۲. نتایج تست غربالگری برای سویه‌های گرم مثبت تولیدکننده آندوسپور هالوفیل یا هالوترانت مربوط به جنس‌های *Bacillus* جدا شده از نقاط مختلف ایران

ردیف	نام جدایه	نام نزدیک‌ترین سویه بر اساس الگوی 16SrRNA	محیط کشت مورد استفاده	ظهور هاله عدم رشد	
				<i>B.cereus</i>	<i>E.coli</i>
۱	DB9	<i>Bacillus vietnamensis 15-1(T)</i>	MH	-	-
۲	WT1	<i>Bacillus clausii KSM-K16</i>	SWN	±	-
۳	BH6	<i>Bacillus halmapalus DSM 8723(T)</i>	SWN	±	-
۴	WT4	<i>Bacillus vallismortis DSM 11031(T)</i>	SWN	±	-
۵	BG3	<i>Bacillus horikoshii DSM 8719(T)</i>	SWN	±	-
۶	BH50	<i>Bacillus pseudofirmus DSM 8715(T)</i>	SWN	-	-
۷	BB6	<i>Bacillus niabensis 4T19(T)</i>	SWN	-	-
۸	WT6	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	MH	+	+
۹	BH20	<i>Bacillus daliensis DLS13(T)</i>	SWN	-	-
۱۰	R4A19	<i>Bacillus clausii KSM-K16</i>	MH	+	+
۱۱	W4S21	<i>Bacillus vietnamensis 15-1</i>	SNA	±	-
۱۲	R2S12	<i>Bacillus mojavensis IFO 15718</i>	SWN	-	-
۱۳	M16	<i>Bacillus sonorensis</i>	SWN	+	-
۱۴	M36	<i>Bacillus jeotgali</i>	SWN	+	-
۱۵	F2	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	SWN	+	-
۱۶	C3	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	SWN	±	-
۱۷	GB2	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	SWN	-	-
۱۸	I1	<i>Bacillus aerophilus 28k</i>	SWN	-	-
۱۹	K4	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	SWN	+	-
۲۰	RC1	<i>Bacillus atrophaeus</i>	MH	-	-
۲۱	I6	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	MH	±	-
۲۲	M8	<i>Bacillus thuringiensis</i>	SWN	±	-
۲۳	B7sub	<i>Bacillus hwajinpoensis</i>	MH	-	-
۲۴	GA5	<i>Bacillus aryabhathi</i>	MH	-	-
۲۵	G7	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	SWN	-	-
۲۶	S27-3	<i>Bacillus cereus ATCC 14579(T)</i>	NA	-	-
۲۷	S10-4	<i>Bacillus safensis FO-036b(T)</i>	NA	-	-
۲۸	-	<i>Bacillus sp. GASY1</i>	MH2.5%	-	-
۲۹	-	<i>Bacillus sp. GASYg</i>	MH2.5%	-	-
۳۰	-	<i>Bacillus sp. GASx21</i>	MH2.5%	-	-
۳۱	-	<i>Bacillus sp. GASx6</i>	MH2.5%	-	-

جدول ۳. نتایج تست غربالگری برای سویه‌های گرم مثبت تولیدکننده آندوسپور هالوفیل یا هالوتالرننت مربوط به جنس‌های غیرباسیلوسی جداسازی شده از نقاط مختلف ایران

ردیف	نام جدایه	نام نزدیک‌ترین سویه بر اساس الگوی 16SrRNA	محیط کشت مورد استفاده	ظهور هاله عدم رشد	
				<i>B.cereus</i>	<i>E.coli</i>
۱	BH3	<i>Alkalibacterium putridalginicola</i>	MH	-	-
۲	DA2	<i>Pontibacillus marinus</i> BH030004 (T)	MH	-	-
۳	DB2	<i>Thalassobacillus hwangdonensis</i> AD-1(T)	MH	-	-
۴	DB8	<i>Halobacillus profundi</i> IS-Hb4 (T)	MH	-	-
۵	DC2	<i>Alkalibacterium putridalginicola</i> T129-2-1 (T)	MH	-	-
۶	BE1	<i>Oceanobacillus picturae</i> LMG 19492 (T)	MH	-	-
۷	WT20	<i>Gracilibacillus dipsosauri</i> DD1(T)	MH	-	-
۸	R4A20	<i>Oceanobacillus oncorhynchi</i>	MH	-	+
۹	R4S2	<i>Virgibacillus olivae</i> E308	SNA	+	-
۱۰	LbS2	<i>Virgibacillus salaries</i> SA-VB1	SNA	+	-
۱۱	R2A12	<i>Halobacillus alkaliphilus</i> FP5 (T)	MH	-	-
۱۲	WT16	<i>Piscibacillus salipiscarius</i> RBU1-1 (T)	MH	-	-
۱۳	R4A11	<i>Halobacillus profundi</i> IS-Hb4	MH	-	-
۱۴	W1B8	<i>Oceanobacillus picturae</i> LMG 19492	MH	-	-
۱۵	R4A39	<i>Virgibacillus necropolis</i> LMG 19488	MH	-	-
۱۶	R3A11	<i>Halomonas fontilapidosi</i> 5CR	MH	-	-
۱۷	MB5	<i>Terribacillus aidingensis</i>	SWN	-	-
۱۸	M47	<i>Oceanobacillus picturae</i> LMG 19492 (T)	SWN	-	-
۱۹	RF1	<i>Psychrobacter faecalis</i>	SWN	+	-
۲۰	BD5	<i>Ornithinibacillus scapharcae</i>	SWN	-	-
۲۱	H10	<i>Oceanobacillus picturae</i> LMG 19492 (T)	MH	-	-
۲۲	SE2	<i>Virgibacillus necropolis</i> LMG 19488	SWN	-	-
۲۳	M47sub	<i>Oceanobacillus pictura</i> LMG 19492 (T)	MH	-	-
۲۴	KB1	<i>Virgibacillus byunsanensis</i>	MH	-	-
۲۵	N7	<i>Pontibacillus chungwensis</i>	MH	-	-
۲۶	B16	<i>Piscibacillus halophilus</i>	MH	-	-
۲۷	-	<i>Nesiotobacter</i> sp. GBW _{X7}	MH2.5%	-	-
۲۸	-	<i>Cyclobacterium</i> sp. GBP _{X2}	MH2.5%	-	-
۲۹	-	<i>Marinobacter</i> sp. GAW _{Y5}	MH2.5%	-	-
۳۰	-	<i>Marinobacter</i> sp. GBW _{X8}	MH2.5%	-	-
۳۱	WT19	-	MH	+	-

-: عدم مهار رشد باکتری اندیکاتور در لایه بالایی. +: مهار رشد باکتری اندیکاتور در لایه بالایی به شک هاله عدم رشد. ±: هاله عدم رشد مشاهده شد اما واضح نبود.

نتایج تست بهینه‌سازی محیط کشت
در بهینه‌سازی مقدار نمک کلرید سدیم موجود در محیط کشت‌های SWN و SNA، میکروارگانیزم‌های اندیکاتور باسیلوس سرئوس و اش‌ریشیا کلی به خوبی در لایه بالایی رشد کردند و اثری منفی از کلرید سدیم موجود در لایه پایه مشاهده نشد. ولی در محیط کشت MH در غلظت ۱۰۰

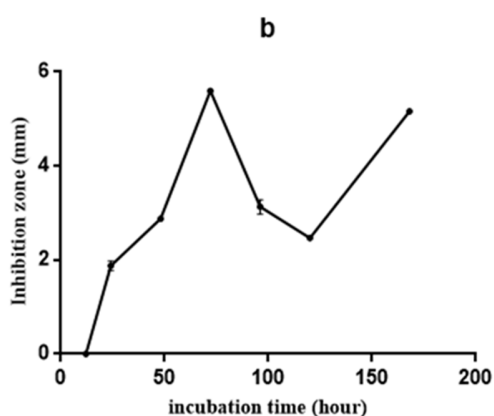
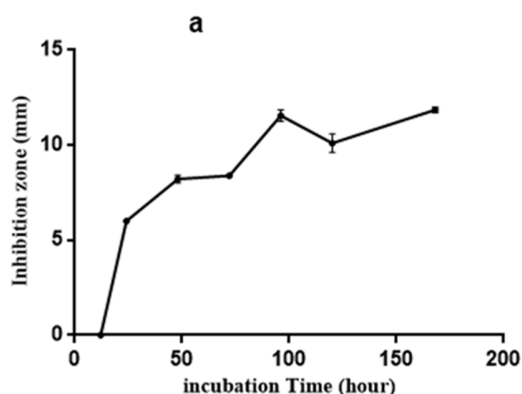
واش‌ریشیا کلی تا حدی که بتوان تست غربال‌گری را انجام داد و هاله عدم رشد را مشاهده کرد، رشد کردند.

گرم‌برلیتر باسیلوس سرئوس اصلا رشد نکرد که نتایج مطابق جدول ۴ می‌باشد. در نهایت غلظت ۸۰ گرم‌برلیتر نمک کلرید سدیم انتخاب شد، زیرا در این غلظت باسیلوس سرئوس

جدول ۴. بهینه‌سازی مقدار نمک کلرید سدیم موجود در محیط کشت MH لایه پایه و بررسی اثر آن بر رشد باکتری‌های اندیکاتور در لایه بالایی

Indicator bacteria	NaCl Concentration (g/l)				
	۱۵	۲۰	۵۰	۸۰	۱۰۰
<i>Bacillus cereuse</i>	+++	++++	+++	+++	-
<i>Escherichia coli</i>	++++	++++	++++	++++	+++

ماده فعال ضد میکروبی توسط سویه R4A20 بعد از پنج روز به بیشترین میزان خود رسید که به ترتیب در نمودارهای ۱ و ۲ نشان داده شده است.



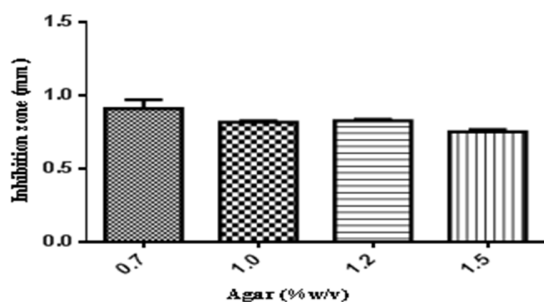
نمودار ۱. بررسی اثر زمان انکوباسیون بر تولید ماده فعال ضد میکروبی توسط سویه WT6 علیه (a) باکتری اش‌ریشیا کلی و (b) باکتری باسیلوس سرئوس ($p < 0.0001$).

نتایج تست غربال‌گری

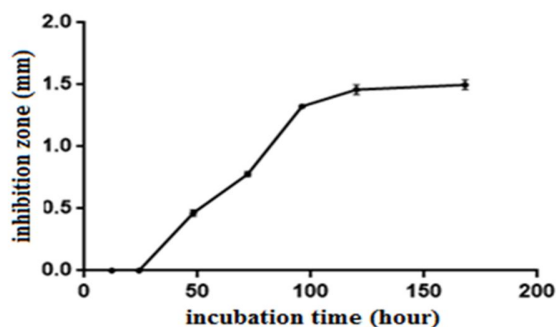
از بین ۳۱ سویه باکتری‌های جنس باسیلوسی که غربال‌گری شدند، چهارده سویه باعث مهار رشد باکتری‌های اندیکاتور در لایه بالایی شدند که از این چهارده سویه، دوازده سویه توانستند فقط رشد باکتری باسیلوس سرئوس را مهار کنند، درحالی‌که دو سویه WT6 و R4A19 باعث مهار هر دو باکتری باسیلوس سرئوس و اش‌ریشیا کلی شدند (جدول ۲). از بین ۳۱ سویه باکتری‌های جنس غیر باسیلوسی، چهار سویه RF1، LbS2، R4S2، و WT19 توانستند فقط رشد باکتری اندیکاتور باسیلوس سرئوس موجود در لایه بالایی را با تولید ماده فعال ضد میکروبی مهار کنند و اثری بر روی اش‌ریشیا کلی نداشتند، درحالی‌که فقط یک سویه R4A20 با تولید ماده فعال ضد میکروبی باعث ایجاد هاله عدم رشد در کشت باکتری اندیکاتور اش‌ریشیا کلی شد (جدول ۳).

نتایج بررسی اثر زمان انکوباسیون بر تولید ماده فعال ضد میکروبی

باکتری‌ها در یک بازه زمانی هفت‌روزه کشت داده شدند و حداکثر تولید ماده فعال ضد میکروبی علیه باکتری‌های اندیکاتور توسط شعاع هاله عدم رشد اندازه‌گیری شد. حداکثر تولید ماده فعال ضد میکروبی توسط سویه WT6 علیه باکتری باسیلوس سرئوس بعد از روز سوم و علیه باکتری اش‌ریشیا کلی بعد از روز چهارم ایجاد شد، درحالی‌که تولید



نمودار ۴. تغییرات شعاع هاله عدم‌رشد نسبت به تغییر درصد آگار در محیط‌کشت MH برای ماده فعال ضد میکروبی تولیدشده توسط سویه R4A20 ($p: +/0.818$).



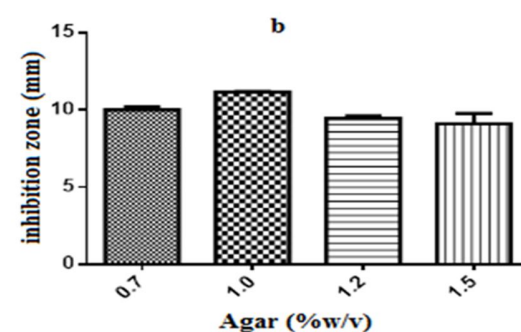
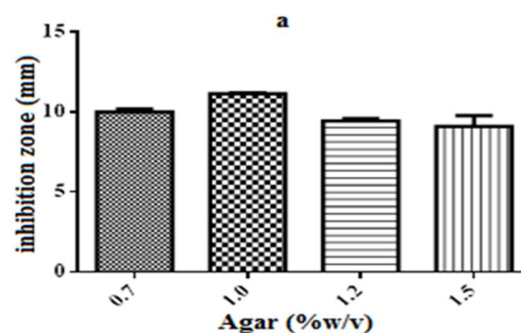
نمودار ۲. تغییرات شعاع هاله عدم‌رشد در بازه زمانی هفت‌روزه برای ماده فعال ضد میکروبی تولیدشده توسط سویه R4A20 ($p < +/0.001$).

بحث

با افزایش مقاومت میکروب‌های پاتوژن به آنتی‌بیوتیک‌ها تهدید بسیار جدی برای سلامتی انسان‌ها به وجود خواهد آمد. میکروارگانیسم‌هایی که برای رشد در محیط‌هایی با شرایط ویژه سازگاری پیدا کرده‌اند، نظیر باکتری‌های نمک‌دوست یا تحمل‌کننده نمک، قابلیت‌های زیادی برای مطالعه و تحقیق از جهت تولید مواد دارای فعالیت زیستی و به‌خصوص آنتی‌بیوتیک دارند.

یک چالش جدی در انجام غربال‌گری ضد میکروبی برای این میکروارگانیسم‌ها، تفاوت شرایط مناسب برای تولید ماده فعال ضد میکروبی توسط این میکروارگانیسم‌های نمک‌دوست با شرایط مناسب برای رشد باکتری‌های اندیکاتور است. هالوفیل‌ها در غلظت بالایی از نمک در محیط کشت و یا pH متفاوتی (قلیایی یا اسیدی) رشد می‌کنند، درحالی‌که این شرایط برای باکتری‌های اندیکاتور مورد استفاده در تست‌های غربال‌گری جهت رشدشان در لایه بالایی نامطلوب می‌باشد. لایه پایه که هالوفیل‌ها بر روی آن رشد می‌کنند دارای مقادیر زیادی نمک است که پس از رشد هالوفیل‌ها و بعد از ریختن لایه بالایی بر روی آن، نمک می‌تواند در لایه بالایی انتشار یابد و بسته به مقدار آن ممکن است مانع از رشد باکتری‌های اندیکاتور موجود در لایه بالایی (اشریشیا کلی و باسیلوس سرئوس) شود، از این رو لازم بود که ابتدا مقدار نمک بهینه شود. لازم به ذکر است که مقدار نمک و

تأثیر غلظت آگار بر نفوذ ماده فعال ضد میکروبی سویه‌های R4A20 و WT6 بر روی محیط کشت اختصاصی خود (MH) با غلظت‌های متفاوت از آگار کشت داده شدند و همان‌طور که در نمودار ۳ و ۴ مشاهده می‌شود، تفاوت معناداری در اندازه شعاع هاله عدم‌رشد در غلظت‌های متفاوت وجود نداشت.



نمودار ۳. اثر غلظت آگار در محیط‌کشت پایه‌ی MH بر نفوذ ماده فعال ضد میکروبی تولید شده توسط سویه‌ی WT6 علیه باکتری باسیلوس سرئوس (a) ($p: +/3.68$) و باکتری اشریشیا کلی (b) ($p: +/25$) با اندازه‌گیری شعاع هاله عدم‌رشد.

قلبای موجود در لایه‌ی پایه و نفوذ و انتشار آن در لایه‌ی بالایی و اثر منفی آن بر رشد باکتری‌های اندیکاتور در چندین تحقیق مشاهده شده است (۲۰، ۲۶) که ضروری بود مقدار نمک بهینه شود، زیرا برای مشاهده هاله عدم‌رشد نیاز به رشد مناسب باکتری‌های اندیکاتور است. در این مطالعه، محیط‌کشت باکتری‌های نمک‌دوست (لایه پایینی) حاوی غلظت‌های بالایی از نمک کلرید سدیم بود. در نتیجه، محیط‌کشت‌های مذکور برای ایجاد مقدار بهینه غلظت نمک کلرید سدیم که از یک طرف برای باکتری‌های نمک‌دوست سازگار باشد و از طرف دیگر باکتری‌های اندیکاتور باسیلوس سرئوس و ایشیشیاکلی بتوانند در آن رشد کنند، مورد آزمایش قرار گرفتند. همان‌طور که در جدول ۴ آمده است برای محیط‌کشت MH، در غلظت ۱۰۰ میلی‌گرم از نمک کلرید سدیم برای باکتری اندیکاتور باسیلوس سرئوس مهار رشد وجود داشت، اما ایشیشیاکلی حتی در غلظت ۱۰۰ میلی‌گرم از نمک کلرید سدیم به‌خوبی رشد کرد. از آنجایی که باکتری‌های گرم‌منفی مقاوم‌تر از باکتری‌های گرم‌مثبت هستند، ممکن است غلظت نمک بالا را به این دلیل تحمل کرده باشند. بنابراین در تست غربال‌گری محیط‌کشت MH با غلظت نمک کلرید سدیم ۸۰ میلی‌گرم بر لیتر برای تست باکتری اندیکاتور باسیلوس سرئوس تهیه شد. از آنجایی که محیط‌کشت MH ۲/۵ درصد دارای غلظت نمک ۲۵ گرم بر لیتر بود، نیاز به انجام مرحله بهینه‌سازی نداشت، چون محیط MH با مقدار نمک ۱۰۰ میلی‌گرم بر لیتر که برای باسیلوس سرئوس مهارکننده بود، خیلی بالاتر از ۲۵ میلی‌گرم بود.

pH محیط‌های کشت مورد استفاده در لایه‌ی پایه حدود ۷/۵ تنظیم می‌شود و مشکلی برای رشد میکروب‌های اندیکاتور ایشیشیاکلی و باسیلوس سرئوس ایجاد نمی‌کند. در مطالعه‌ی که دانش و همکاران در سال ۲۰۱۱ در یک غربال‌گری برای سویه‌های قلیا‌دوست (آلکالیفیل) جمع‌آوری شده از آفریقای شرقی در دانشگاه لوند سوئد انجام دادند، سدیم

کربنات موجود در محیط‌کشت پایه چالش‌زا بود که باعث مهار رشد باکتری‌های اندیکاتور در لایه بالایی شده بود. نتایج در این مورد نیز حساس‌تر بودن باسیلوس نسبت به ایشیشیاکلی را نشان داده است (۲۰). تعداد ۶۲ ایزوله‌ای که از دریاچه‌های شور ایران جدا شدند، توسط آنالیز ژنتیکی *rRNA 16S* و با رسم درخت فیلوژنتیکی نزدیک‌ترین سویه که شباهت بسیاری با آن‌ها داشت مشخص شد. هرچند استفاده از این روش یکی از مطمئن‌ترین روش‌هاست (۲۷)، ولی چنانچه در مراحل بعد که شامل تولید در مقدار انبوه، خالص‌سازی و شناسایی ماده فعال است، سویه‌ای ماده ضد میکروبی باارزشی تولید کند، باید به‌طور دقیق‌تری تعیین‌گونه انجام شود.

در جنس باسیلوسی، دو سویه‌ی *WT6* و *R4A19* متابولیت‌هایی تولید کردند که رشد هر دو باکتری اندیکاتور باسیلوس سرئوس (گرم مثبت) و ایشیشیاکلی (گرم منفی) را مهار کردند. امین و همکاران در سال ۲۰۱۵ گونه‌هایی از باکتری‌های باسیلوسی از خاک جدا کردند که مواد فعالی تولید می‌کردند که اثرات ضد میکروبی بر علیه ایشیشیاکلی و استافیلوکوکوس اورئوس داشتند (۲۸). در جنس غیر باسیلوسی سویه‌هایی که توانستند رشد باسیلوس سرئوس را مهار کنند، سویه‌های *WT19*، *RF1*، *LbS2* و *R4S2* می‌باشند که ممکن است به دلیل ساختار سست دیواره سلولی در باکتری‌های گرم‌مثبت نسبت به باکتری‌های گرم منفی متابولیت‌های ثانویه تولید شده توسط آن سویه‌ها بر روی باکتری‌های گرم‌مثبت بیشتر اثر کرده است، چراکه مواد آنتی‌بیوتیکی نسبتاً به آهستگی به غشای خارجی نفوذ می‌کنند. سویه‌ای که بر علیه اندیکاتور ایشیشیاکلی هاله عدم‌رشد ایجاد کرد، سویه *R4A20* (*Oceanobacillus oncorhynchi*) بود که مواد فعال تولید شده فقط بر علیه باکتری ایشیشیاکلی که گرم‌منفی است موثر بود. در یک مطالعه که در سال ۲۰۱۳ توسط تامبارک و همکارانش انجام شد، سویه دیگری از این جنس به نام *Oceanobacillus inehyensis* مشاهده شد که خواص ضد میکروبی بر علیه

اشریشیا کلی از خود نشان داد، ولی بر علیه باسیلوس سوبتیلیس اثرات ضد میکروبی کمتری ایجاد کرد (۲۹).

از آنجایی که متابولیت‌های ثانویه‌ی تولید شده توسط میکروارگانیسم‌ها ممکن است در طول زمان متفاوت باشد، یعنی در یک زمان خاصی به حداکثر برسد، یک دوره ۷ روزه برای انجام تست غربال‌گری انتخاب شد. همان‌طور که در نمودار ۲ نشان داده شده است، در این مطالعه که با سویه R4A20 انجام شد (سویه‌ای که هاله رشد بهتری نشان داده بود)، در فاصله‌زمانی ۱۲ ساعته و ۲۴ ساعته هیچ هاله‌ی عدم‌رشدی ایجاد نشد که این نشان می‌دهد ماده موثره آن از نوع متابولیت ثانویه بوده است که بعد از پنج روز به حداکثر تولید خود رسید، در حالی که حداکثر تولید ماده فعال ضد میکروبی سویه WT6 موثر بر علیه باسیلوس سرئوس و اشریشیاکلی به ترتیب بعد از روز سوم و چهارم ایجاد شد (نمودار ۱). این داده‌ها برای مرحله تولید وخالص‌سازی مواد فعال دارای اهمیت است. در یک مطالعه مشابه که توسط دانش و همکاران در سال ۲۰۱۱ بر روی یک باسیلوس آلکالوفیل انجام شده است، تولید ماده فعال ضد میکروبی پس از دو روز به بیشترین میزان خود رسید که پس از گذشت ۵ روز دوباره فعالیت ضد میکروبی کم شد (۲۰).

نتیجه‌گیری

غلظت آگار یک فاکتور مهم در محیط‌های کشتی محسوب می‌شود که در تست‌های غربال‌گری ضد میکروبی استفاده می‌شوند (۲۶). این که یک ماده ضد میکروبی تولید می‌شود یا دو ماده، انتشار آن‌ها در مقدار غلظت‌های مختلفی از آگار متفاوت خواهد بود و با افزایش غلظت آگار این تفاوت متمایزتر خواهد شد. در مطالعه‌ای که مشهودی و همکاران انجام دادند (۲۶)، چنین تفاوتی مشاهده شد و معلوم شد دو ماده‌ی فعال تولید می‌شود که یکی بر علیه اشریشیا کلی در غلظت ۱/۲ درصد بیشترین هاله عدم رشد را به وجود آورد و دیگری در غلظت ۱/۵ درصد بر علیه باسیلوس سوبتیلیس

بیشترین عاله عدم‌رشد را ایجاد می‌کرد و در آزمایشات بعدی این یافته تثبیت شد. اما همان‌گونه که در نمودار ۳ و ۴ دیده شد، در این مطالعه هاله عدم‌رشد در غلظت‌های مختلف آگار اختلاف معنی‌داری نداشت (ارزش p بیشتر ۰/۰۵ محاسبه شده است). این موضوع می‌تواند یک مزیت برای متابولیت تولید شده در نظر گرفته شود. به‌عنوان مثال، این ماده‌ی فعال می‌تواند در سامانه‌های ویسکوز و دارای پروستی مختلف استفاده شود.

تشکر و قدردانی

بدین وسیله از معاونت پژوهشی دانشگاه علوم پزشکی مشهد به خاطر حمایت مالی از این تحقیق تشکر و قدردانی می‌گردد. این مقاله برگرفته از پایان‌نامه‌های خانم مریم قویدل و زینب شاه‌محمدی می‌باشد.

منابع

1. World Health Organization. Global tuberculosis report 2016. Geneva: World Health organization; 2016.
2. Kim SH, Bae IK, Park D, et al. Serotype Distribution and Antimicrobial Resistance of Streptococcus pneumoniae Isolates Causing Invasive and Noninvasive Pneumococcal Diseases in Korea from 2008 to 2014. BioMed Research International 2016; Article ID 6950482, 7 pages, doi:10.1155/2016/6950482
3. Aminov RI. A brief history of the antibiotic era: lessons learned and challenges for the future. Front Microbiol 2010; 1:134.
4. World Health Organisation. "Antimicrobial resistance". Available from: <http://www.who.int/mediacentre/factsheets/fs194/en/>. [Last Accessed in 2011 Dec 5].
5. World Health Organisation. Global foodborne infections network. Available from: <http://www.who.int/gfn/en/>. [Last Accessed on 2011 Dec 6]
6. Wise R, Blaser M, Carrs O, et al. The urgent need for new antibacterial agents. J Antimicrob Chemother 2011; 66(9): 1939-1940.

7. Ballav S, Kerkar S, Thomas S, Augustine N. Halophilic and halotolerant actinomycetes from a marine saltern of Goa, India producing anti-bacterial metabolites. *J Biosci Bioeng.* 2015; 119(3): 323-30.
8. Wang YH, Feng JT, Zhang Q, Zhang X. Optimization of fermentation condition for antibiotic production by *Xenorhabdus nematophila* with response surface methodology. *J Appl Microbiol.* 2008; 104(3): 735-44.
9. Raaijmakers JM, Vlami M, De Souza JT. Antibiotic production by bacterial biocontrol agents. *Antonie van Leeuwenhoek* 2002; 81(1): 537-547.
10. Khiralla A1, Mohamed IE2, Tzanova T3, Schohn H3, Slezack-Deschaumes S4, Hehn A4, André P5, Carre G5, Spina R1, Lobstein A6, Yagi S2, Laurain-Mattar D7. Endophytic fungi associated with Sudanese medicinal plants show cytotoxic and antibiotic potential. *FEMS Microbiology Letters* 2016; 363(11), fnw089, <https://doi.org/10.1093/femsle/fnw089>
11. Nielsen JC, Grijsseels S, Prigent S, et al, Global analysis of biosynthetic gene clusters reveals vast potential of secondary metabolite production in *Penicillium* species, *Nature Microbiology* (2017). DOI: 10.1038/nmicrobiol.2017.44.
12. Atta HM, Ahmad MS. Antimycin-A antibiotic biosynthesis produced by *Streptomyces* sp. taxonomy, fermentation, purification and biological activities. *Aust J Basic Appl Sci* 2009; 3: 126-135.
13. Raaijmakers JM, De Bruijn I, Nybroe O, et al. Natural functions of lipopeptides from *Bacillus* and *Pseudomonas*: more than surfactants and antibiotics. *FEMS Microbiol Rev* 2010; 34(6): 1037-1062.
14. Mavrodi DV, Blankenfeldt W, Thomashow LS. Phenazine compounds in fluorescent *Pseudomonas* spp. biosynthesis and regulation. *Annu Rev Phytopathol* 2006; 44: 417-445.
15. Wittmann C, Liao JC. *Industrial Biotechnology: Microorganisms*. Weinheim, Germany: Wiley-VCH Verlag GmbH & Co. KGaA; 2017 doi: 10.1002/9783527807796.fmatter1
16. Jorgensen JH, Ferraro MJ. Antimicrobial Susceptibility Testing: A Review of General Principles and Contemporary Practices. *Clin Infect Dis* 2009; 49(11), 1749–1755.
17. VelhoPereira S, Kamat N. Antimicrobial screening of actinobacteria using a modified cross-streak method. *Indian J Pharm Sci* 2011; 73(2): 223–228.
18. Sharma M, Dangi P, Choudhary M. Actinomycetes Source, Identification, and Their Applications. *Inter J Curr Microbiol App Sci* 2014; 3: 801-832.
19. Darvishi F. Regulation of Gene Expression by Quorum Sensing in Bacteria. *Genetics in the 3rd millennium* 2013; 11(1): 3028-3035.
20. Danesh A. Production, purification and characterization of antibacterial biomolecules from an alkaliphilic *Bacillus* 2011; 136s. [PhD Thesis]. Lund University, Sweden, 2011.
21. Makhdoumi Kakhki A, Amoozegar MA, Kazemi B, PaiC L, Ventosa A. Prokaryotic diversity in Aran-Bidgol salt lake, the largest hypersaline playa in Iran. *Microbios and environ* 2012; (1)27: 87-93.
22. Mehrshad M, Amoozegar MA, Yakhchali B, Shahzase FSA. Biodiversity of moderately halophilic and halotolerant bacteria in the western coastal line of Urmia Lake. *Diversity* 2012; 1(2): 49 - 69.
23. Goto K, Omura T, Hara Y, Sadaie Y. Application of the partial 16S rDNA sequence as an index for rapid identification of species in the genus *Bacillus*. *J Gen Appl Microbiol* 2000; 46(1): 1-8.
24. Darvishi F, Golbang N, Hojati Z, Motovali-bashi M. Isolation of the Streptomycin antibiotic production regulatory gene (*strR*) by PCR. *Iranian Journal of Biol* 2006; 19(3): 264-71.
25. Chun J, Lee JH, Jung Y, et al. EzTaxon: a web-based tool for the identification of prokaryotes based on 16S ribosomal RNA gene sequences. *Int J Syst Evol Microbiol* 2007; 57(10): 2259-2261.

26. Mashhadi S, Moshtaghi Nikou M, Amoozgar M A, Danesh A. Isolation and Identification of a Rare Actinomycete with Antibacterial Activity from Saline Region of Iran . Res Mol Med (RMM) 2016; 4(3): 10-16.
27. Rabbani M, Sadeghi HM, Karjoo Z. Molecular detection of *Streptomyces griseus* isolated from Isfahan soil. Pak J Biol Sci 2007; 10(19):3374-9.
28. Amin M, Rakhisi Z, Zarei Ahmady A. Isolation and identification of *Bacillus* species from soil and evaluation of their antibacterial properties. Avicenna J Clin Microb Infec. 2015; 2(1): e23233.
29. Dh T, Dhundale VR. Screening of Antimicrobial potentials of haloAlkaliphilic Bacteria isolated from lonar lake. Int J Pharm Chem Biol Sci 2013; 3(3): 820-825.